



myBaits®



ゲノム領域を迅速かつ選択的に濃縮

myBaits ターゲットキャプチャキット

myBaits®ターゲットキャプチャキットは、次世代シーケンス (NGS) のために目的のゲノム領域を迅速かつ選択的に濃縮することができる、ビオチン化RNAプローブと試薬のセットです。Illumina®、IonTorrent®、PacBio®、Nanopore®など、あらゆるプラットフォームで非常に費用対効果の高い次世代シーケンスを実現します。

myBaitsキットはこれまでに数千の研究プロジェクトで成功を収めてきた実績があります。カスタムデザインキットおよび特定の研究向けのプレデザインキットの中からご研究目的に合わせてお選びいただけます。

特長

- 特定のSNP、エクソン、遺伝子、その他の配列モチーフを濃縮
- シンプルなプロトコル：新規またはエキスパートNGSユーザーに最適
- 無料のデザインサービス(カスタムキット)：専門的に精査されたプローブ
- プレデザインキットはすぐに出荷可能
- オープンプラットフォーム：
主要なNGSライブラリ調製システムと互換性あり
- 完全なソリューション：
キットにはハイブリダイゼーションおよび洗浄試薬が含まれます

アプリケーション

- アグリゲノミクス
- ハイスループットジェノタイピング
- 系統学
- エクソンシーケンス
- バリエーションディスカバリー
- 古代のDNA /古遺伝学

ワークフロー

1 ライブラリの変性、ブロッカー・ベイトとの結合

2 ビーズとの結合、オフターゲット分子の洗浄

3 濃縮したライブラリの増幅、シーケンス

myBaits ラインナップ

全生物のNGSプロジェクト用 カスタムキット

myBaits Custom

あらゆる生物またはプロジェクトのサイズに焦点を合わせたNGSハイブリダイゼーションキャプチャパネルです。新鮮なDNAや分解されたDNA、環境DNAをソースとする動物、植物、微生物の研究プロジェクトで使用可能です。点変異、コピー数変動 (CNV)、大小のInDelなど、NGSに適したあらゆるタイプの遺伝的特徴を簡単に評価します。さらに、ターゲットキャプチャは、あらゆる種類の標本、考古学的DNA、法医学DNA、または無細胞DNAなどの短く劣化したターゲット分子を含むサンプルでも使用できます。

UCEs (超保存エレメント) 用

myBaits Expert UCE

UCEは、より多様な配列が隣接する、高度に保存されたゲノム領域です。UCE遺伝子座のセットは、脊椎動物や昆虫を含むさまざまな分類学グループで特定されており、新規および非モデル種の系統発生研究の理想的なターゲット・キャプチャ候補として利用されています。

ラインナップ:

- ・四肢動物用
- ・魚類用
- ・無脊椎動物用 (クモ綱、甲虫目、ハエ目、ハチ目)

細菌ゲノム (16S rRNA) 用

myBaits Expert 16S-Hyb

16S rRNA遺伝子配列は、微生物分類および系統解析のために頻りに使用されます。myBaits Expert 16S-Hybパネルは、超可変領域ではなく遺伝子全体を濃縮し、16Sアンプリコン配列よりも良好な分類学的分解能および少ないバイアスをもたらします。また、メタゲノム研究と組み合わせ、個々のサンプルのより少ないシーケンス深度しか必要とせずに、新規表現型に寄与している可能性のある希少な分類群を効率的に特定することができます。

被子植物オーソログ用

myBaits Expert Angiosperms 353

すべての被子植物 (顕花植物) のオーソログである数百の単一コピー遺伝子を濃縮します。プローブは、すべての顕花植物中に存在する5~15の代表的な配列を含む、353の遺伝子座から設計されています。これらのプローブは、顕花植物の系統発生研究に広く適用可能です。

ミトコンドリアゲノム用

myBaits Expert Mito

ミトコンドリアDNA (mtDNA) シーケンスは、系統発生学、集団遺伝学、種同定などで利用されています。各細胞のmtDNAの内因性コピー数が多いため、さまざまなサンプルソースから良好な回収率が得られます。myBaits Expert Mito は、新鮮なDNA、農業、環境、法医学、古代、またはアーカイブ資料など、あらゆるタイプの標本から完全なmtDNAシーケンスを回収するのに適したバイト長、タイル密度、バイト濃度で設計されています。ヒト、犬、馬、羊など、考古学または法医学研究に関連性の高い生物を含む、さまざまな生物用のラインナップがあります。

全ゲノム用

myBaits Expert Whole Genome Enrichment (WGE)

複雑なDNAソースからのゲノムワイドDNAのターゲットキャプチャに適した、ビオチン化RNAベイトです。環境DNAや古代DNAなどの複雑なメタゲノムサンプルからゲノム全体の内因性DNAを大量に濃縮できます。カスタムWGEベイトを製造するために必要なものは、ゲノムの配列が決定されていない場合でも、目的の生物または近縁の生物からの高品質ゲノムDNAのサンプルのみです。

小麦エクソーム用

myBaits Expert Wheat Exome Panel

myBaits Expert Wheat Exome Panelは、最新のゲノムアセンブリーとChinese Springの注釈セットを使用してInternational Wheat Genome Sequencing Consortium (IWGSC) と共同で開発されました。このパネルは、六倍体コムギの完全な高い信頼性のエクソン注釈付きゲノムを濃縮し、15GBを超えるTriticum aestivumゲノムの250メガベース以上のCDSおよびCDS近傍領域を回収します。

キク科植物オーソログ用

myBaits Expert Compositae-1061

Compositae/Asteraceae (キク科) 植物ファミリーの2~3の代表的な配列を含む、1061個の遺伝子座から設計されています。これらプローブは、キク科とその姉妹科であるカリケラ科 (Calyceae) メンバーの系統発生研究に広く適用可能です。

※本文書に記載の製品は、すべて研究・実験用です。
人・動物の診断あるいは治療等の臨床用途に使用することはできません。

●お問合せ先 (公認販売店):



プライムテック株式会社

東京都文京区小石川 1-3-25 小石川大国ビル2F
Phone: 03-3816-0851(代表) FAX: 03-3814-5080
http://www.primetech.co.jp/ reagents@primetech.co.jp

●製造元:



rev01 (202009E)