



日本細菌学会
JAPANESE SOCIETY FOR BACTERIOLOGY

共催：第93回日本細菌学会総会 / イルミナ株式会社 ランチョンセミナー

メタゲノムのその先へ シングルセルゲノム網羅解析

演者：bitBiome 株式会社
早稲田大学 理工学術院総合研究所
細川 正人 先生

日時：2020年2月19日（水） 11:55～12:55
会場：第1会場（ウインクあいち 2F 大ホール）

メタゲノム解析は、菌叢組成や全遺伝子組成を明らかにし、微生物群集の全体像を捉えることができる強力な手法である。しかし、多様性に富む微生物群集から、特定の細菌種と機能遺伝子を結びつけることや、種内多様性を知ることは未だ容易ではない。また、微生物群集解析が盛んに進められる中で、未培養細菌のリファレンスゲノムの拡充も重要な課題となっている。

本講演では、メタゲノム解析と補完的に利用できる新しい技術として「シングルセルゲノム網羅解析」を紹介する。本技術により、未培養細菌群集からのドラフトゲノムの一括獲得、株レベルでの細菌ゲノム比較解析、特定遺伝子の検出と保有細菌種の特定、リファレンスゲノムの拡充など、さまざまな展開が可能となる。bitBiome社が提供する微生物対象シングルセルゲノム解析サービス bit-MAP™ がもたらすブレイクスルーの最新事例として、腸内細菌・土壌細菌・海洋細菌などでのシングルセルゲノム網羅解析を紹介する。

《ご注意》

本大会のランチョンセミナーをご聴講いただくには整理券が必要になります。
当日の朝8時30分より、7F ホワイエで配布いたします。
整理券はおひとり様一枚限り、開催当日分のみとなり、セミナー開始次第無効となります。

■ セミナーに関するお問合せ先 contactJPN@illumina.com